

Уточнение видового состава лесных мышей Армении с использованием молекулярно-генетических характеристик

Научный руководитель – Арутюнян Маргарита Карленовна

Азарян Валентина Богдановна

Сотрудник

Российско-Армянский (Славянский) университет, Институт математики и высоких технологий, Кафедра медицинской биохимии и биотехнологии, Ереван, Армения

E-mail: valentina.azaryan@rau.am

Республика Армения является биогеографически отличительной территорией со значительно разнообразными местами обитания, несмотря на свою небольшую территорию. В относительно ограниченном регионе наблюдаются как засушливые субтропические полупустыни (на юге), так и влажные смешанные леса (на севере). Видовая принадлежность некоторых популяций до последнего времени остаётся неясной [1].

Западнопалеарктические лесные мыши рода *Apodemus* Kaup, 1929 sensu lato относятся к наиболее распространенным грызунам Евразии. Благодаря своей способности проживать в достаточно широком спектре мест обитания, эти животные присутствуют в разнообразных ландшафтах. Использование молекулярных данных наряду с морфологической оценкой особенно важно в случае исследований на лесных мышах в Закавказье, где нет точной таксономии в роде *Apodemus*. Последнее является следствием сложности идентификации из-за высокого морфологического и экологического сходства представителей различных видов.

Целью исследований было определение видового состава с определенных стационаров из всех областей Республики Армения. Для этого в ходе полевых работ были зафиксированы основные морфологические показатели для определения предполагаемой видовой принадлежности отловленного животного. Затем, для уточнения видового статуса образцы были исследованы в лабораторных условиях с применением методик выделения ДНК, проведения ПЦР, очистки ДНК и последующим секвенированием участков гена мтДНК. Заключительным этапом исследования был анализ демографических показателей популяций и реконструкция филогенетических деревьев.

В результате полномасштабных исследований лесных мышей рода *Apodemus* с применением современных методов молекулярно-генетического анализа стало возможным внести ясность и четкие дополнения к имеющимся скудным данным по таксономии и биоразнообразию данных мышей в целом. Так, было уточнено наличие трех видов лесных мышей, обитающих почти повсеместно на территории Республики Армения, вместо ранее заявленных пяти, а именно: *A. uralensis* (Pallas, 1811), *A. witherbyi* (Thomas, 1902) и *A. ponticus* (Sviridenko, 1936), исключая фактическое наличие *A. sylvaticus* (Linnaeus, 1758) и *A. flavicollis* (Melchior, 1834).

Источники и литература

- 1) Balasanyan V., Yavruyan E., Somerová B., Abramjan A., Landová E., Munclinger P., Frynta D. High diversity of mtDNA haplotypes confirms syntopic occurrence of two field mouse species *Apodemus uralensis* and *A. witherbyi* (Muridae: *Apodemus*) in Armenia // Russ J Genet. 2018. V. 54. P. 687–697.